



姓名 夏爱

职 称：教授

邮 箱：xiaai@njau.edu.cn

联系电话：025-84399675

办公地址：理科楼 B218

研究方向：

昆虫与植物互作的机理与调控

教育经历：

2005.09 – 2010.05 美国弗吉尼亚理工大学，昆虫学博士

1998.09 – 2001.07 西北农林科技大学，理学硕士

1994.09 – 1998.07 西北农林科技大学，农学学士

工作经历：

2020.12 – 今 南京农业大学植物保护学院，教授

2011.01– 2020.12 南京农业大学植物保护学院，副教授

2010.03 – 2010.12 南京农业大学植物保护学院，讲师

2001.09 – 2010.03 中国矿业大学，讲师

执教课程：

全英文课程：昆虫分子生物学

本科生课程：普通昆虫学实验

承担课题：

1. 2021 年 1 月-2024 年 12 月, 绿盲蝽唾液腺候选效应子 AI106 调控植物免疫反应的分子机制解析, 国家自然科学基金面上项目(32072431), 58 万, 主持人。
2. 2018 年 1 月-2019 年 12 月, 贵阳腐霉 CRN 类效应子的杀蚊功能与作用机制研究, 国家自然科学基金面上项目(31770157), 25 万, 主持人。
3. 2014 年 1 月-2016 年 12 月, 中华按蚊物理图谱的构建与进化分析, 国家自然科学基金青年项目 (31301877), 25 万, 主持人。
4. 2014 年 1 月-2016 年 12 月, 中华按蚊物理图谱的构建与进化分析, 中央高校基本科研业务费 (KJQN201431), 10 万, 主持人。
5. 2012 年 1 月-2013 年 12 月, 留学回国人员科技活动项目择优资助, 2 万元, 主持人。
6. 2011 年 1 月-2013 年 12 月, 科研启动费, 南京农业大学, 5 万, 主持人。

代表性科研成果：

1. Shen D, Nyawira KT, Xia A*. New discoveries and applications of mosquito fungal pathogens [J]. Current Opinion in Insect Science. 2020, 40:111-116.
2. Dong Y#, Jing M#, Shen D, Wang C, Zhang M, Liang D, Nyawira KT, Xia Q, Zuo K, Wu S, Wu Y, Dou D, Xia A*. The mirid bug *Apolygus lucorum* deploys a glutathione peroxidase as a candidate effector to

enhance plant susceptibility [J]. Journal of Experimental Botany.

2020 Jan 17. pii: eraa015. doi: 10.1093/jxb/eraa015.

3. Shen D[#], Dong Y[#], Wei Y, Zhang M, Wang J, Tang Z, Xia Q, Nyawira KT, Jing M, Dou D, Xia A^{*}. Genome-wide and functional analyses of tyrosine kinase-like family genes reveal potential roles in development and virulence in mosquito pathogen *Pythium guiyangense* [J]. Fungal Genetics and Biology, 2019.130:11-18.
4. Shen D[#], Tang Z[#], Wang C, Wang J, Dong Y, Chen Y, Wei Y, Cheng B, Zhang M, Grenville-Briggs JL, Tyler MB, Dou D, Xia A^{*}. Infection mechanisms and putative effector repertoire of the mosquito pathogenic oomycete *Pythium guiyangense* uncovered by genomic analysis[J]. PLoS Genetics, 2019, 15(4).
5. Shen D[#], Wang J[#], Dong Y, Zhang M, Tang Z, Xia Q, Nyawira KT, Jing M, Dou D, Xia A^{*}. The glycoside hydrolase 18 family chitinases are associated with development and virulence in the mosquito pathogen *Pythium guiyangense* [J]. Fungal Genetics and Biology, 2019 135:103290.
6. Wang C, Shen D, Wang J, Chen Y, Dong Y, Tang Z, Xia A^{*}. An AGC kinase, PgAGC1 regulates virulence in the entomopathogenic oomycete *Pythium guiyangense* [J]. Fungal Biology. 2019 123(1): 87-93.

7. Wei Y, Cheng B, Zhu G, Shen D, Liang J, Wang C, Wang J, Tang J, Cao J, Sharakhov IV and Xia A*. Comparative physical genome mapping of malaria vectors *Anopheles sinensis* and *Anopheles gambiae* [J]. Malaria Journal. 2017 16(1): 235.
8. Liang J, Cheng B, Zhu GD, Wei Y, Tang JX, Cao J, Ma YJ, Sharakhova MV, Xia A* and Sharakhov IV*. Structural divergence of chromosomes between malaria vectors *Anopheles lesteri* and *Anopheles sinensis*. Parasites & Vectors. 2016. 9(1):608.
9. Liang J, Sharakhova MV, Lan Q, Zhu H, Sharakhov IV and Xia A*. A standard cytogenetic map for *Anopheles sinensis* and chromosome arm homology between subgenera *Anopheles* and *Cellia*. Medical and Veterinary Entomology. 2014. 28(Suppl.1):26-32.

荣誉奖励:

昆虫分子生物学全英文课程建设 负责人 入选 “2020 年江苏高校省级外国留学生英文授课精品课程”