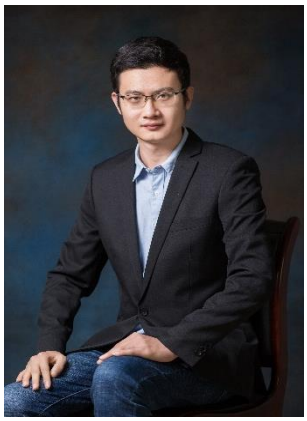

孙荆涛

职　　称：副教授，硕士生导师

邮　　箱：jtsun@njau.edu.cn

联系电话：025-84395868

办公地址：理科楼 B422

研究方向：

昆虫分子生态与进化

教育经历：

2008/11-2009/05，日本东京大学，合作研究二斑叶螨种群遗传结构

2007/09-2012/06，南京农业大学，农业昆虫与害虫防治，农学博士

2003/09-2007/06，山东农业大学，植物保护专业，农学学士

工作经历：

2015/01-至今，　南京农业大学，植保学院昆虫学系，副教授（硕导）

2012/06-2014/12，南京农业大学，植保学院昆虫学系，讲师

执教课程：

农业昆虫学实验

昆虫分子生态学

承担课题：

1. 国家自然科学基金（31972264），线粒体与核基因异位显性互作影响灰飞

虱产卵量的机制研究，2020.01 – 2023.12，主持；

2. 国家重点研发计划 （2017YFD0201802），北方玉米病害防治技术创新与优化，2017.07 – 2020.12，参加；
3. 中央高校基本科研业务费（KYZ201614），灰飞虱线粒体多样性地理分布受环境选择的遗传机制，2016.03-2019.03，主持；
4. 国家自然科学基金（31300346），截形叶螨暴发的种群遗传学机制研究，2014.01 - 2016.12，主持；
5. 教育部博士点基金（20130097120005），灰飞虱 SNP 位点的开发及种群遗传结构研究，2014.01 - 2016.12，主持；
6. 南京农业大学青年科技创新基金 （Y0201300214），截形叶螨的谱系地理学研究，2013.06 - 2015.12，主持。

代表性科研成果：

1. Sun JT[#], Duan XZ[#], Hoffmann AA, Liu Y, Garvin MR, Chen L, Hu G, Zhou JC, Huang HJ, Xue XF, Hong XY*. 2019. Mitochondrial variation in small brown planthoppers linked to multiple traits and likely reflecting a complex evolutionary trajectory. Molecular Ecology, 2019, 28(14): 3306-3323.
2. Liu Y, Chen L, Duan XZ, Zhao DS, Sun JT* & Hong XY. Genome-wide single nucleotide polymorphisms are robust in resolving fine-scale population genetic structure of the small brown planthopper, *Laodelphax striatellus* (Fallen) (Hemiptera: Delphacidae). Journal of Economic Entomology, 2019, DOI:10.1093/jee/toz145.
3. Sun JT[#], Jin PY[#], Hoffmann AA. Duan XZ, Dai J, Hu G, Xue XF, Hong XY*. Evolutionary divergence of mitochondrial genomes in two *Tetranychus* species distributed across different climates. Insect Molecular Biology, 2018, 27(6), 698–709.

4. Zhu YX, Song YL, Zhang YK, Hoffmann AA, Zhou JC, Sun JT & Hong XY*. Incidence of facultative bacterial endosymbionts in spider mites associated with local environments and host plants. Applied and Environmental Microbiology, 2018, 84(6): UNSP e02546-17.
5. Huang HJ, Cui J R, Guo Y, Sun JT & Hong XY*. Roles of, LsCYP4DE1, in wheat adaptation and ethiprole tolerance in, *Laodelphax striatellus*. Insect Biochemistry and Molecular Biology, 2018, 101, 14-23.
6. Sun JT, Wang MM, Zhang YK, Chapuis MP, Jiang XY, Hu G, Yang XM, Ge C, Xue XF, Hong XY*. Evidence for high dispersal ability and mito-nuclear discordance in the small brown planthopper, *Laodelphax striatellus*. Scientific Reports, 2015, 5: 8045.
7. Sun JT, Jiang XY, Wang MM, Hong XY*. Development of microsatellite markers for, and a preliminary population genetic analysis of, the white-backed planthopper. Bulletin of Entomological Research, 2014, 104 (6): 765-773.
8. Yang SX, Guo C, Xu M, Sun JT & Hong XY. Sex-dependent activity of de novo methyltransferase 3 (Tudnmt 3) in the two-spotted spider mite, *Tetranychus urticae* Koch. Insect Molecular Biology, 2014, 23(6): 743~753.
9. Ge C, Sun JT, Cui YN, Hong XY*. Develop 36 polymorphic microsatellite markers for *Tetranychus truncates* by transferring from the whole genome sequence of *Tetranychus urticae*. Experimental and Applied Acarology, 2013, 61(2): 195 - 212.
10. Sun JT, Lian C, Navajas M, Hong XY*. Microsatellites reveal a strong subdivision of genetic structure in Chinese populations of the mite *Tetranychus urticae* Koch (Acari: Tetranychidae). BMC Genetics, 2012, 13: 8.

社会服务工作：

Topic Editor, Frontiers in Ecology and Evolution, (Evolution of Mitochondrial Genomes), 2019.